

## 男同连续性行为对多部位淋病感染的影响

### 研究背景

目前对引起男男同性恋人群中淋病奈瑟菌传播的性行为仍然存在争议。且尚未有研究探索同时在一一次性行为场景中，连续发生两种不同的性行为（“连续性行为”）对淋病奈瑟菌的传播的影响。本研究旨在探索不同的连续性行为模式能否解释男男同性恋人群中高比例的多解剖部位同时感染的现象。

### 方法学

基于研究目的，我们共构建了8个仓室模型。首先构建了一个没有连续性行为的基线模型（模型1）。然后，我们向基线模型中分别添加三组连续性行为模式：（1）连续先口交后肛交(或先肛交后口交)(模型2)；（2）将唾液涂抹在阴茎上，作为阴茎肛交时的润滑剂（模型3）；（3）连续口交后再进行口-肛交(舔肛)（或反向）（模型4）。其余的四个模型(模型5-8)则是基于以上三组连续性行为的组合。

### 结果

基线模型仅仅可以校正单一解剖部位的感染，而低估多部位共同感染的情况。当将这三组连续性行为模式加入到基线模型中时，我们发现连续先口交再肛交（或者连续先肛交再口交），可以校正多部位共同感染的情况。在不包括连续先口交再肛交（或者连续先肛交再口交）的情况下，另外两种传播途径单独或同时存在并不能校正多部位共同感染的情况。

### 结论

我们的模型显示，连续先口交后肛交(或连续先肛交后口交)可能会造成高比例的多部位共同感染。